



---

**XL SESIÓN DE COMUNICACIONES CIENTÍFICAS**  
**FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS**  
**2019**

---

**COMISIÓN DE LA XL SESIÓN DE COMUNICACIONES CIENTÍFICAS**  
**2019**

**Presidente:**

*Dr. Sebastián SÁNCHEZ*

**Secretario:**

*Dr. Alcides Ludovico SLANAC*

**Vocales:**

*Dra. Lilian Cristina JORGE*  
*Dra. Gladys Pamela TEIBLER*  
*Msc Pablo MALDONADO VARGAS*

**Miembros del Comité de Admisión:**

*Dra. Silvia Irene BOEHRINGER*  
*Dra. María Fabiana CIPOLINI GALARZA*  
*Dra. Luciana CHOLICH*  
*Dr. David Roque HERNÁNDEZ*  
*Dr. José Luis KONRAD*  
*Dr. Fernando Augusto REVIDATTI*  
*Dra. Adriana ROSCIANI*

**Colaboradores:**

*Dr. José Sebastián BENÍTEZ RUIZ DÍAZ*  
*MV Sebastián CAPELLO VILLADA*  
*MV Gabriela Soledad CHILESKI*  
*Dra. Diana MARTÍNEZ*  
*MV José Augusto PICOT*

## **Detección molecular de *Leishmania* spp. en piel de oreja de roedores sinantrópicos de la ciudad de Corrientes**

\*Salinas, F.M.; Alegre, E.A.; Ruiz, R.M.; Ramírez, G.V.

Cátedra de Salud Pública, Facultad de Ciencias Veterinarias, UNNE.

\* Email: florencia.salinas.marcela@gmail.com

### **Resumen**

El objetivo del presente trabajo fue realizar un estudio sobre roedores sinantrópicos que habitan la ciudad de Corrientes, Argentina, con el fin de detectar mediante técnicas de PCR, la posible presencia del parásito *Leishmania* spp. Se trabajó con muestras de piel de oreja de ratas de la especie *Rattus rattus*. Se realizó una PCR control de especie de rata, ratón y hámster que nos permitió corroborar la presencia del material genético. Para la identificación de *Leishmania* spp. se aplicó la técnica de la Nested PCR. Se trabajó con un total de 27 muestras, seleccionándose 6 muestras de ADN al azar a las que se les aplicó la técnica de PCR control de especies, revelando todas ellas bandas de 118pb. En la Nested PCR primer round se analizaron un total de 27 muestras de las cuales 5 revelaron bandas de 520 pb las cuales fueron sometidas a una segunda PCR donde 3 resultaron detectables a bandas de 490pb. Nuestros resultados indican una tasa de 11,11% de muestras detectables a *Leishmania* spp., si bien no es una tasa elevada que confirme la posibilidad de convertirse en verdaderos reservorios, si se puede destacar que ninguno de ellos presentó manifestaciones clínicas compatibles.

Palabras claves: Leishmaniasis, PCR, Roedores.