



XLII SESIÓN DE COMUNICACIONES CIENTÍFICAS
FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS
2022

ISSN 2451-6732



Detección de Herpes Virus 4 HVE4 en muestras de aborto equino

Nottidge, E.; *Maruñak, S.; Montesi, A.; Jaztrebsky, F.; Almirón, E.; De Biasio, M.B.

Servicio Veterinario de Biología Molecular. Sargento Cabral 2139, (3400) Corrientes.

Facultad de Ciencias Veterinarias -UNNE

*smarunak@yahoo.com.ar

Resumen:

Las pérdidas gestacionales ocasionadas por infecciones virales, bacterianas y fúngicas, tienen una alta prevalencia en la industria hípica, traducéndose en elevadas pérdidas económicas en los haras de nuestro país. Los agentes virales, como *Herpesvirus equino 1 y 4* y virus de la arteritis viral equina, y bacterianos, como *Salmonella abortus equi* y *Leptospira spp.*, producen brotes enzoóticos por lo que el diagnóstico precoz constituye uno de los pilares para el control de éstas enfermedades y es por eso que la utilización de técnicas diagnósticas rápidas son fundamentales para decidir las medidas profilácticas y terapéuticas a implementar. El objetivo del trabajo es la detección de genoma de *Herpesvirus equino 4* en un producto de aborto equino utilizando la reacción en cadena de la polimerasa seminested (PCRs_n) presentado en un caso clínico. Se procesaron muestras de hisopados realizados a partir de placenta, riñón, hígado y pulmón para extracción de ADN. Dos reacciones de amplificación sucesivas fueron llevadas a cabo en un volumen final de 25µl y conteniendo: 1X de Buffer de PCR, 2,5mM MgCl₂, 2,0µM de cada oligonucleótido cebador (HVE-4Fw/ HVE-4Rew para la primer ronda de amplificación y HVE-4Fw/ HVE-4Rn para la segunda ronda de amplificación); 200µM de una mezcla equimolecular de dNTPs, 0,5U de Taq ADN polimerasa. Se utilizó un control positivo de PCR consistentes en ADN de HVE 4 cedidos gentilmente por el Instituto de Virología Equina del INTA Castelar y un control negativo consistente en agua destilada. Las condiciones térmicas para la amplificación fueron: desnaturalización inicial: 95°C por 5min, luego 35 ciclos de desnaturalización a 95°C por 30seg; pegado de primer: 60°C por 30seg; extensión: 72°C por 60seg; extensión final: 72°C por 1min; incubación: 4°C hasta su utilización. Los tamaños de los productos de amplificación de la primera y segunda ronda fueron fragmentos de 509 y 323pb, éstos fueron separados y visualizados por electroforesis en gel de agarosa 2%, teñidos con bromuro de etidio y observados por transiluminación UV. Las muestras correspondientes a riñón e hígado del producto de aborto mostraron bandas de amplificación específica de HVE4 de 323pb luego de realizar la segunda ronda de amplificación. Este resultado indica que la implementación de la técnica molecular es de gran sensibilidad y especificidad al lograr un diagnóstico del agente causal, dada la importancia que significa para el médico veterinario tomar las medidas sanitarias correspondientes.

Palabras clave: Identificación, agente viral