



XLII SESIÓN DE COMUNICACIONES CIENTÍFICAS
FACULTAD DE CIENCIAS VETERINARIAS
2022

ISSN 2451-6732



**Distancias genéticas entre los ovinos criollos del oeste formoseño
con otras poblaciones americanas**

Cappello, J.S.^{1*}; Revidatti, M.A.¹; De la Rosa, S.¹; Morales, V.N.¹;
Tejerina, E.R.¹; *BiOvis Consortium²*; Martínez, A.³

¹ Cátedra de producción de pequeños rumiantes y cerdos. Facultad de Ciencias Veterinarias, Universidad Nacional del Nordeste (Argentina).

² Miembros del BiOvis Consortium, Red CONBIAND.

³ Facultad de Veterinaria, Universidad de Córdoba (España).

*sebakplo@hotmail.com

Resumen:

Este trabajo se enmarca dentro del *BioOvis consortium* de la Red para la Conservación de la Biodiversidad de los Animales Domésticos Locales para el Desarrollo Rural Sostenible (Red CONBIAND), donde se desarrollan estudios de caracterización y conservación de genotipos locales, que contemplan a las poblaciones criollas como los ovinos del oeste formoseño (AROF), las cuales descienden de las especies ganaderas domésticas, que fueron introducidas durante la conquista española y portuguesa. El objetivo fue estimar las distancias genéticas entre los ovinos criollos del oeste formoseño y otras poblaciones americanas mediante el cálculo de estadísticos F y distancias genéticas de Nei. Se emplearon 23 marcadores microsatélites, 510 individuos pertenecientes a 13 genotipos locales de Argentina (Salta, Santiago del Estero, Corrientes y Buenos Aires), Bolivia, Brasil, Chile, Ecuador, México, Paraguay, Perú y Uruguay. Se calcularon índices de fijación (Weir & Cockerham) con sus intervalos de confianza, y D_A de Nei (1983), con este último se confeccionó un árbol de distancias por el método *Neighbor-Joining*. Los resultados fueron: $f=0,077$ (0,052 - 0,110); $F=0,148$ (0,120 - 0,182) y $\theta=0,076$ (0,064 - 0,090). En la matriz θ , AROF se encuentra moderadamente cercana a todas, excepto las de Buenos Aires y Uruguay. En la matriz D_A, se observan las menores distancias entre AROF con los ovinos de Corrientes, Bolivia, Chile y Perú; y las mayores distancias se encontraron con la población de 25 de mayo (Buenos Aires) y de Uruguay. Mediante el árbol construido, se aíslan los genotipos peruanos y mexicanos, y se conforman dos agrupaciones marcadas, la primera incluye a los genotipos de Argentina y Bolivia, dentro del cual, la primera en separarse es la majada boliviana, posteriormente, los de Formosa se diferencian del resto de Argentina, y la segunda conformada por las restantes poblaciones. Se concluye que la población AROF guarda cierta cercanía genética con poblaciones geográficamente próximas, aquellas ubicadas dentro de la región del Gran Chaco Americano.

Palabras clave: Ovejas, Razas locales, Caracterización molecular.