



## **XXVII Comunicaciones Científicas y Tecnológicas**

Orden Poster: CM-047 (ID: 2429)

**Autor: Hermoso, Ayelén**

**Título: Relación del oncogén ErbB-2 con EPAS1 en la carcinogénesis del carcinoma renal de células claras**

Director: Marin, Hector Marcelo

Palabras clave: carcinoma, oncogen, Erb2, terapeutica, renal

Área de Beca: Cs. De La Salud

Tipo Beca: Evc - Cin

Periodo: 01/09/2021 al 01/09/2022

Lugar de trabajo: Facultad De Medicina

Proyecto: (16I003) Estudio de la Optimización de la Señalización Celular en la Búsqueda de Nuevas Dianas Terapéuticas en Pacientes con Cáncer.

### **Resumen:**

Resumen:

El carcinoma de células renales (CCR) representa el 3% de los tumores del Adulto y el 95% de las neoplasias malignas del riñón. El CCR es considerado uno de los tumores más vascularizados de los tumores adultos y esto es debido a alteraciones en gen supresor del tumor Von Hippel Lindau (VHL) que degrada al factor inducible por hipoxia (HIF) del cual se conocen tres subtipos HIF1, EPAS-1 y HIF3. De la expresión de los genes de EGF en el CCR se conoce la expresión de EGFR y ErbB-3 sin embargo la expresión del oncogén ErbB-2 es dudosa. Nuestro objetivo fue estudiar la relación de ErbB-2 y EPAS-1 y su implicación en la agresividad en el subtipo células claras CCR. Para ello se utilizaron muestras de pacientes del Servicio de Anatomía patológica del Vidal entre los años 2015 al 2019. Se realizó la técnica de coloración de H/E e Inmunohistoquímica. Y se analizaron los datos provenientes de Historias Clínicas y de los informes patológicos asociado a las muestras con Excel/2007 y/o GraphPad Prism8. Con respecto a la expresión de ErbB2 nuclear y su relación con el factor inducible por hipoxia de tipo 2 (EPAS-1), en 4 muestras representativas que NErbB-2 está presente en 3 de los casos igualmente que EPAS-1 sin embargo HIF1 sigue otro patrón. Nuestros datos muestran que ErbB2 se localiza en el núcleo en un porcentaje de 33% (3+), 22% (2+) y 11% (1+). Así como también EPAS-1 se localiza en el núcleo en un porcentaje de 36% (3+), 11%(2+). Hemos realizado la relación entre los dos genes y observamos que la presencia de ErbB2 nuclear se relaciona con EPAS-1. Sin embargo hay un bajo porcentaje positivas para ErbB-2 que no expresan EPAS-1. Y en relación de EPAS-1 con el tamaño del tumor y presencia de MTT, observamos que, hay mayores números de muestras con tamaños tumorales menores de 10cm y menor cantidad de muestras con tamaños tumorales mayor de 10 cm. Y así también existe un menor porcentaje de presencia de metástasis con EPAS-1 positivo. Encontramos una tendencia positiva entre la presencia de ErbB-2 y el Estadio Clínico. Por lo que concluimos que, Parece haber relación entre la expresión de ErbB-2 y EPAS-1. Que EPAS-1 no tendría relación con el tamaño del tumor y presencia de MTT. Que EPAS-1 se estaría teniendo relación con el Estadio Clínico.