



XXIII Comunicaciones Científicas y Tecnológicas

Orden Poster: CE-015 (ID: 638)

Autor: Escobar, Hector Raul

Título: Prevalencia del Virus de la Hepatitis B (HBV) en una muestra de la población del Nordeste de Argentina

Director:

Palabras clave: HVB, HBsAg, GOT, GPT, FAL

Área de Beca: Cs. Naturales Y Exactas

Tipo Beca: Iniciacion Tipo A

Periodo: 02/03/2015 al 02/03/2018

Lugar de trabajo: Imr - Instituto De Medicina Regional

Proyecto: (11A000) Beca con Linea Prioritaria

Resumen:

Resumen:

El virus de la hepatitis B (HBV) presenta amplia distribución en todo el mundo, estimándose en más de 500 millones de infectados. Este agente etiológico es un virus ADN cubierto que pertenece a la familia Hepadnaviridae. El virión es una partícula esférica de 42 nm, que presenta

envoltura y un centro que constituye la nucleocápside, el cual contiene el material genómico de ADN parcialmente bicatenario y una polimerasa

relacionada. La envoltura está constituida por una proteína principal, que es el antígeno de superficie (HBsAg), y otras dos de menor importancia

inmunológica. Otros componentes del centro viral o core son el antígeno del core (HBcAg) y el antígeno e (HBeAg). Su transmisión se produce por vía

sexual (principalmente), vertical y parenteral, presentando un periodo de incubación extenso de 1-4 meses.

Los marcadores serológicos descritos son detectados a través de enzimoimmunoensayos y el ADN viral por distintos formatos de técnica de reacción en cadena de la polimerasa (PCR)6-8.

La biología molecular ha permitido la secuenciación del genoma determinando la existencia de ocho genotipos, designados de la A-H 9,10.

Argentina está considerada como un país con endemidad baja (menor al 2% de prevalencia)^{1,2} Está descrito, además, un pico de infección entre los 20 y 35 años, asociado principalmente con relaciones sexuales no protegidas¹.

El objetivo de este trabajo fue determinar la prevalencia de HBV en la población de estudio, el desarrollo y puesta a punto de la metodología reacción en cadena de la polimerasa (PCR) para amplificación del fragmento genómico del HBV a secuenciar, caracterizar genéticamente los genotipos, relacionar los hallazgos virológicos con la información clínica y epidemiológica recolectada y por ultimo elevar a las autoridades sanitarias, a fin de promover conductas que favorezcan la prevención de la infección y la implementación de programas de control y difusión.

-MATERIALES Y MÉTODOS:

Se analizó la presencia del HBsAg mediante técnica de ELISA y perfil enzimático (GOT, GPT y FAL) en 292 muestras de suero o plasma de

estudiantes universitarios de ambos sexos de las facultades de Ingeniería, FACENA, Facultad de Ciencias Veterinarias, Facultad de Abogacía y

Facultad de Odontología que asistieron al Laboratorio de la Cátedra de Inmunología Clínica, Área de Microbiología (FACENA), en el periodo 2015 hasta el día de la fecha.

RESULTADOS, DISCUSIÓN Y CONCLUSIONES:

Dado a que la hepatitis B es una infección con potenciales complicaciones y dificultades en su tratamiento, se considera importante poder llegar a

conocer su prevalencia en la población analizada a fin de poder caracterizar genéticamente los genotipos encontrados en aquellas muestras que

resulten reactivas. De las 292 muestras analizadas hasta el momento, el 75 % aproximadamente correspondieron al sexo femenino, el promedio

de edad fue 27 años (entre 22 y 55 años) y en el momento de la toma de muestra ninguno de los alumnos participantes manifestó alguna

patología hepática o gastrointestinal. El perfil enzimático promedio fue el siguiente: GOT 14 U/L (11-23 U/L), GPT 23 U/L (9-25 U/L) y FAL 136

U/L (91-161 U/L). Del total de muestras analizadas, una sola de ellas resulto "Reactiva" para el HBsAg, lo que representa el 0.34 %. A esta última

además se le realizó la determinación de anticuerpos anti-core total, resultando "Reactivo" para la misma.

La prevalencia de la infección por hepatitis B hasta el momento en este trabajo fue 0,34 %, lo cual coincide con la prevalencia a nivel país e incluso de América Latina, que es considerada como una endemicidad baja y menor al 2 %²¹. Las concentraciones de las enzimas GOT y GPT se observaron dentro del rango normal, en cambio se detectaron niveles elevados de FAL en algunos estudiantes ²², lo cual podría relacionarse a otras patologías no analizadas en este estudio ²³. Si bien, hasta el momento se analizó un importante número de muestras, el estudio requiere aumentar la cohorte a fin de obtener resultados estadísticamente más representativos de la población analizada. En etapas posteriores, se procederá a la tipificación del genotipo circulante previa amplificación del gen de la B-globina de las muestras reactivas para determinar la calidad e integridad del ADN y relacionar con la información clínica y epidemiológica a fin de promover conductas en la población analizada.